

**Puzzle zur Genomassemblierung.** Die folgenden DNA-Stücke stellen (doppelsträngige) Reads aus einem Genom der Länge 100 dar. Die Orientierung der Reads im Genom ist unbekannt. Vereinzelt sind Sequenzierfehler enthalten, d.h. Überlappungen sind nicht immer perfekt identisch. Viel Erfolg! – Sven Rahmann, Algorithmische Bioinformatik, UdS

CCTAAAAACGCCCGGGCCCA  
GGVLLLLLLGGGGCCCGGGI

GGGCACACCTCGTGCCCGAA  
LTCGGGACGAGGTTGTC

AGGAAAATAACTACTCGTGG  
LCCLLLLLVLLGVLVG

GGTGGGCCCGGGCGTTTTTA  
CCVCCCGGGCCCGVCC

GCCCGGGCGTTTTTAGGTAC  
GTAACGAAACGCGCGGG

CTCTGATCGAACGGTGACGC  
GGTCAACCGTTGATGAG

ATTACTTCGGGCACGATGTG  
LAVLVVVGGCCCGAAGTAT

GGCCACGATTACTTCGGGCA  
CCCGGAGTAAATGTCGG

GGCGTTTTTAGGTAAGTACC  
GGTCAAGTAAACGCG

TAACTACTCGTGGCCACGAT  
ATCGTGGCCACGAGTAA

CACGAGGTGGGCCCGGGCGT  
ACGCCCGGGCCGACCTCG

ATTTTCCTCCTCTGATCGAA  
LTVVVVAGGAGGAAAT

TCGTGGCCACGATTACTTCT  
AGAGTAAATGTCGACG

AATAAACCGGTCACCGTTCG  
LTVLLLVGAGCGGTTT

AGGAGGAAAATAACTACTCG  
CGAGTAAATTTTCTCT

GTGGGCCCGGGCGTTTTAG  
CTAAACGCGCGCGCG

GAACGGTGACCGTATCTTG  
CAAGTACCGGTCACCGT